

## IMPLICACIÓN DEL CERDO DOMÉSTICO EN EXTENSIVO Y EL JABALÍ (*SUS SCROFA*) EN LA EPIDEMIOLOGÍA DE LA TUBERCULOSIS EN ANDALUCÍA

D. Cano-Terriza<sup>1</sup>; M.A. Risalde<sup>2</sup>; S. Jiménez-Ruiz<sup>1</sup>; J. Paniagua<sup>1</sup>; B. Romero<sup>3</sup>; M. Fernández-Morente<sup>4</sup>; I. Moreno<sup>5</sup>; J. Isla<sup>1</sup>; V. Fernández-Molera<sup>4</sup>; A. Arenas<sup>1</sup>; J.L. Sáez<sup>6</sup>; I. García-Bocanegra<sup>1</sup>.

<sup>1</sup>Depto. de Sanidad Animal, Universidad de Córdoba (UCO), España. <sup>2</sup>Depto. de Anatomía y Anatomía Patológica Comparadas, UCO, España. <sup>3</sup>VISAVET Health Surveillance Centre, UCM, España. <sup>4</sup>CAPDR, Junta de Andalucía, Sevilla, España. <sup>5</sup>Servicio de Inmunología Microbiana, ISCIII, Madrid, España. <sup>6</sup>Subdirección General de Sanidad e Higiene Animal y Trazabilidad, DGPA, MAPAMA, Madrid, España. **E-mail: davidcanovet@gmail.com**

En Andalucía, el cerdo ibérico y sus cruces suelen criarse bajo sistemas de producción extensivos, compartiendo hábitat con otras especies domésticas y silvestres, algunas de las cuales son reservorios del Complejo *Mycobacterium tuberculosis* (CMT). El objetivo del presente estudio fue determinar la seroprevalencia, factores de riesgo y espoligotipos del CMT que circulan en porcino extensivo y en poblaciones de jabalí (*Sus scrofa*) en Andalucía. Entre los años 2011 y 2018, se obtuvieron muestras de sangre de 3622 cerdos procedentes de 129 explotaciones extensivas y de 1190 jabalíes de 55 cotos de caza mayor. Las muestras se analizaron mediante P22-ELISA no comercial. En ambas especies, se realizó cultivo y espoligotipado de las lesiones compatibles con tuberculosis (TB) obtenidas durante la inspección *post-mortem*. La seroprevalencia individual en porcino extensivo fue del 2,3% (IC<sub>95%</sub>:1,8%-2,8%), mientras que a nivel de explotación alcanzó el 24,8% (IC<sub>95%</sub>:17,4%-32,3%). En jabalí, la prevalencia de anticuerpos fue del 51,6% (IC<sub>95%</sub>:48.8%-55,4%), detectándose animales seropositivos en el 78,2% de los cotos. Se aislaron un total de 25 y 7 espoligotipos diferentes de CMT en cerdo y jabalí, respectivamente, en su mayoría compartidos entre ambos, así como con el ganado bovino. El tamaño de explotación (OR=1,001) y la presencia de explotaciones caprinas colindantes (OR=7,345), fueron los principales factores de riesgo asociados a la seropositividad frente al CMT en explotaciones porcinas. Así mismo, se encontró una seropositividad significativamente superior ( $P=0,006$ ) en jabalíes procedentes de cotos con vallado cinagético en comparación con fincas abiertas. La baja seroprevalencia individual detectada en porcino extensivo sugiere que esta especie podría actuar como hospedador accidental más que como un verdadero reservorio de TB. Sin embargo, la elevada prevalencia de explotación y la presencia de espoligotipos compartidos entre ganado y fauna silvestre, ponen de manifiesto que sería conveniente evaluar, en función de la situación epidemiológica y de los métodos diagnósticos oficiales disponibles, la posibilidad de incorporar sistemas de vigilancia en las explotaciones de porcino extensivo en los ecosistemas mediterráneos. Los resultados indican que los suidos, fundamentalmente el jabalí, juegan un papel relevante en la epidemiología de la TB en algunas zonas de España.